

Metodi iterativi

30 giugno 2007

0.1 Introduzione

Sia A una matrice reale avente n righe ed n colonne, b un vettore colonna avente n righe e si supponga di voler risolvere il sistema lineare $Ax = b$. Come noto, se il determinante della matrice è diverso da 0 (cioè la matrice A è non singolare) allora il problema $Ax = b$ ha una ed una sola soluzione.

Ricordiamo che in Matlab/Octave la soluzione può essere calcolata con il metodo LU, utilizzando il comando `\`. Un esempio:

```
octave:1> A=[1 2 4; 2 4 16; 3 9 81];
octave:2> b=ones(3,1);
octave:3> x=A\b
octave:4> norm(A*x-b)
ans = 9.9301e-16
octave:5> det(A)
ans = -24.000
```

Uno dei principali problemi del metodo LU è legato all'alto costo computazionale. Se A è una generica matrice quadrata di ordine n infatti necessitano circa

$$O\left(\frac{n^3}{3} + \frac{n^2}{2}\right)$$

operazioni moltiplicative, che possono risultare eccessive nel caso di matrici di grandi dimensioni. Per ovviare a questo problema si usano metodi iterativi (stazionari) del tipo

$$x^{(k+1)} = Bx^{(k)} + c, \quad k = 0, 1, \dots$$

con B dipendente da A e c dipendente da A e b (ma non da k). A differenza dei metodi diretti (come ad esempio il metodo LU), in genere un metodo iterativo stazionario convergente calcola usualmente solo un'approssimazione della soluzione x (a meno di una tolleranza prefissata). Se m è il numero di iterazioni necessarie, visto che ogni iterazione ha un costo $O(n^2)$ dovuto al prodotto matrice-vettore $Bx^{(k)}$, ci si augura che il costo computazionale $O(mn^2)$ del metodo iterativo sia di gran lunga inferiore a $O(\frac{n^3}{3} + \frac{n^2}{2})$ di un metodo diretto quale LU.

0.2 I metodi di Jacobi, Gauss-Seidel e SOR

Se $A = D - E - F$ con D matrice diagonale, E, F rispettivamente triangolare inferiore e superiore con elementi diagonali nulli e se $A = M - N$ con M non singolare, un generico *metodo iterativo stazionario* e' del tipo

$$x^{(k+1)} = M^{-1}Nx^{(k)} + M^{-1}b. \quad (1)$$

La matrice $P = M^{-1}N$ è usualmente chiamata *matrice di iterazione* del metodo iterativo stazionario definito da M, N . Questa definizione dei metodi stazionari, forse un po' astratta, ha il vantaggio di offrire una rappresentazione compatta degli stessi ed è comunemente utilizzata in letteratura.

Nel caso del **metodo di Jacobi** (1845) si ha

$$M = D, N = E + F \quad (2)$$

e quindi

$$P = M^{-1}N = D^{-1}(E + F) = D^{-1}(D - D + E + F) = D^{-1}(D - A) \quad (3)$$

Si osservi che se D è non singolare allora il metodo di Jacobi, almeno in questa versione di base, non può essere utilizzato visto che in (??) non ha senso la scrittura D^{-1} .

Qualora sia $a_{ii} \neq 0$ per ogni $i = 1, \dots, n$, il metodo di Jacobi può essere descritto come

$$x_i^{(k+1)} = (b_i - \sum_{j=1}^{i-1} a_{ij}x_j^{(k)} - \sum_{j=i+1}^n a_{ij}x_j^{(k)})/a_{ii}, \quad i = 1, \dots, n. \quad (4)$$

Un codice Matlab/Octave del metodo di Jacobi, fornito in internet presso il sito di Netlib

<http://www.netlib.org/templates/matlab/>

è il seguente

```
function [x, error, iter, flag] = jacobi(A, x, b, max_it, tol)

% -- Iterative template routine --
%   Univ. of Tennessee and Oak Ridge National Laboratory
%   October 1, 1993
%   Details of this algorithm are described in "Templates for the
%   Solution of Linear Systems: Building Blocks for Iterative
%   Methods", Barrett, Berry, Chan, Demmel, Donato, Dongarra,
%   Eijkhout, Pozo, Romine, and van der Vorst, SIAM Publications,
%   1993. (ftp netlib2.cs.utk.edu; cd linalg; get templates.ps).
%
% [x, error, iter, flag] = jacobi(A, x, b, max_it, tol)
%
% jacobi.m solves the linear system Ax=b using the Jacobi Method.
```

```

%
% input  A      REAL matrix
%        x      REAL initial guess vector
%        b      REAL right hand side vector
%        max_it  INTEGER maximum number of iterations
%        tol     REAL error tolerance
%
% output x      REAL solution vector
%        error   REAL error norm
%        iter    INTEGER number of iterations performed
%        flag    INTEGER: 0 = solution found to tolerance
%                  1 = no convergence given max_it

iter = 0;                                % initialization
flag = 0;

bnrm2 = norm( b );
if ( bnrm2 == 0.0 ), bnrm2 = 1.0; end

r = b - A*x;
error = norm( r ) / bnrm2;
if ( error < tol ) return, end

[m,n]=size(A);
[ M, N ] = split( A , b, 1.0, 1 );      % matrix splitting

for iter = 1:max_it,                    % begin iteration

    x_1 = x;
    x   = M \ ( N*x + b );              % update approximation

    error = norm( x - x_1 ) / norm( x ); % compute error
    if ( error <= tol ), break, end      % check convergence

end

if ( error > tol ) flag = 1; end         % no convergence

```

Il codice di jacobi utilizza una funzione `split` che serve per calcolare le matrici M , N che definiscono l'iterazione del metodo di Jacobi. La routine è scritta da esperti di algebra lineare e si interrompe quando la norma 2 dello step relativo

$$\frac{\|x^{(k+1)} - x^{(k)}\|_2}{\|x\|_2}$$

è inferiore ad una tolleranza `tol` prefissata oppure un numero massimo di iterazioni `max_it` è raggiunto. Ricordiamo che se $v = (v_i)_{i=1,\dots,n}$ è un elemento di \mathbb{R}^n allora

$$\|v\|_2 = \sqrt{\sum_{i=1}^n v_i^2}.$$

Un altro metodo di particolare interesse é quello di **Gauss-Seidel** (1874) per cui

$$M = D - E, N = F \quad (5)$$

e quindi

$$P = M^{-1}N = (D - E)^{-1}F \quad (6)$$

Similmente al metodo di Jacobi, possiamo riscrivere più semplicemente anche Gauss-Seidel come

$$x_i^{(k+1)} = (b_i - \sum_{j=1}^{i-1} a_{ij}x_j^{(k+1)} - \sum_{j=i+1}^n a_{ij}x_j^{(k)}) / a_{ii}. \quad (7)$$

Da (??) si capisce perchè tale metodo è noto anche come *metodo delle sostituzioni successive*.

Per accelerare la cosiddetta *velocità di convergenza* si introducono, per un opportuno parametro ω , la versione *rilassata* del metodo di Jacobi

$$x^{(k+1)} = (I - \omega D^{-1}A)x^{(k)} + \omega D^{-1}b \quad (8)$$

e di Gauss-Seidel

$$x^{(k+1)} = (\frac{D}{\omega} - E)^{-1}((\frac{1}{\omega} - 1)D + F)x^{(k)} + (\frac{D}{\omega} - E)^{-1}b. \quad (9)$$

Si osservi che i metodi di Jacobi e Gauss-Seidel si ottengono rispettivamente da (??) e (??) per la scelta $\omega = 1$. Esistono delle buone scelte di tale parametro ω di *rilassamento*? L'idea è la seguente. Sia $\rho(P)$ il massimo degli autovalori in modulo della matrice di iterazione $P = M^{-1}N$ (il cosiddetto raggio spettrale). Si dimostra che un metodo iterativo (stazionario) definito da P converge per ogni vettore iniziale x_0 se e solo se $\rho(P) < 1$. Se

$$R(P) = -\ln(\rho(P))$$

è la velocità di convergenza asintotica del metodo iterativo relativo a P cioè il numero di iterazioni k necessarie per ridurre l'errore di un fattore ϵ verifica la disuguaglianza

$$k \geq \frac{-\ln(\epsilon)}{R(P)}.$$

Conseguentemente se $\rho(P)$ è minore allora maggiore è $R(P)$ e minore il numero di iterazioni per ridurre l'errore di un fattore ϵ . Si desidera quindi cercare metodi con $\rho(P)$ più piccolo possibile.

La versione di Gauss-Seidel con la scelta del parametro ω è nota in letteratura come **SOR**, acronimo di *successive over relaxation*. Una versione di SOR scaricabile presso il sito di Netlib [?] è la seguente

```
function [x, error, iter, flag] = sor(A, x, b, w, max_it, tol)

% -- Iterative template routine --
% Univ. of Tennessee and Oak Ridge National Laboratory
```

```

%      October 1, 1993
%      Details of this algorithm are described in "Templates for the
%      Solution of Linear Systems: Building Blocks for Iterative
%      Methods", Barrett, Berry, Chan, Demmel, Donato, Dongarra,
%      Eijkhout, Pozo, Romine, and van der Vorst, SIAM Publications,
%      1993. (ftp netlib2.cs.utk.edu; cd linalg; get templates.ps).
%
% [x, error, iter, flag] = sor(A, x, b, w, max_it, tol)
%
% sor.m solves the linear system Ax=b using the
% Successive Over-Relaxation Method (Gauss-Seidel method when omega = 1 ).
%
% input   A          REAL matrix
%         x          REAL initial guess vector
%         b          REAL right hand side vector
%         w          REAL relaxation scalar
%         max_it     INTEGER maximum number of iterations
%         tol        REAL error tolerance
%
% output  x          REAL solution vector
%         error      REAL error norm
%         iter       INTEGER number of iterations performed
%         flag       INTEGER: 0 = solution found to tolerance
%                        1 = no convergence given max_it

flag = 0;                                % initialization
iter = 0;

bnrm2 = norm( b );
if ( bnrm2 == 0.0 ), bnrm2 = 1.0; end

r = b - A*x;
error = norm( r ) / bnrm2;
if ( error < tol ) return, end

[ M, N, b ] = split( A, b, w, 2 );      % matrix splitting

for iter = 1:max_it                      % begin iteration

    x_1 = x;
    x   = M \ ( N*x + b );              % update approximation

    error = norm( x - x_1 ) / norm( x ); % compute error
    if ( error <= tol ), break, end      % check convergence

end
b = b / w;                              % restore rhs

if ( error > tol ) flag = 1; end;        % no convergence

```

Come per il metodo di Jacobi, il processo si interrompe quando la norma 2 dello step relativo

$$\frac{\|x^{(k+1)} - x^{(k)}\|_2}{\|x\|_2}$$

è inferiore ad una tolleranza tol prefissata oppure un numero massimo di iterazioni \max_{it} è raggiunto.

Per ulteriori dettagli si consulti ad esempio [?, p. 313-339].

0.3 Convergenza dei Jacobi, Gauss-Seidel ed SOR

Lo studio della convergenza dei metodi di Jacobi, Gauss-Seidel ed SOR è un proposito complicato e menzioneremo alcuni classici risultati [?, p. 231-315].

Il metodo di Jacobi risulta convergente in uno dei seguenti casi [?, p. 247]:

1. A è a predominanza diagonale in senso stretto;
2. A è a predominanza diagonale ed è irriducibile;
3. A è a predominanza diagonale in senso stretto per colonne;
4. A è a predominanza diagonale per colonne ed è irriducibile.

Il metodo di Gauss-Seidel risulta convergente in uno dei seguenti casi [?, p. 249]:

1. A è a predominanza diagonale in senso stretto.
2. Sia A una matrice simmetrica definita positiva, non singolare con elementi principali $a_{i,i} \neq 0$. Allora Gauss-Seidel è convergente se e solo se A è definita positiva.

Per matrici tridiagonali (a blocchi) $A = (a_{i,j})$ con componenti diagonali non nulle, i metodi di Jacobi e Gauss-Seidel sono o entrambi convergenti o divergenti e il tasso di convergenza del metodo di Gauss-Seidel è il doppio di quello del metodo di Jacobi (il che vuol dire che *asintoticamente* sono necessarie metà iterazioni del metodo di Gauss-Seidel per ottenere la stessa precisione del metodo di Jacobi).

Ricordiamo che

1. A è a predominanza diagonale (per righe) se per ogni $i = 1, \dots, n$ risulta

$$|a_{i,i}| \geq \sum_{j=1, j \neq i}^n |a_{i,j}|$$

e per almeno un indice s si abbia

$$|a_{s,s}| > \sum_{j=1, j \neq s}^n |a_{s,j}|.$$

2. A è a predominanza diagonale in senso stretto (per righe) se per ogni $i = 1, \dots, n$ risulta

$$|a_{i,i}| > \sum_{j=1, j \neq i}^n |a_{i,j}|.$$

3. A è a predominanza diagonale per colonne (in senso stretto) se A^T è a predominanza diagonale per righe (in senso stretto).
4. A è tridiagonale se $a_{i,j} = 0$ per $|i - j| > 1$.
5. A è definita positiva se e solo se i suoi autovalori sono positivi.

1 Matrici simmetriche definite positive: il metodo del gradiente coniugato

Il metodo del gradiente coniugato (di cui forniremo solo il codice e alcuni brevi indicazioni) fu descritto nel 1952 da Hestenes e Stiefel ma per quanto destasse subito l'interesse dell'ambiente matematico non venne molto utilizzato fino al 1971, quando Reid suggerì il suo utilizzo per la risoluzione di sistemi sparsi (cioè con molte componenti nulle) di grandi dimensioni [?].

Se A è una matrice simmetrica e definita positiva di ordine n , si può dimostrare che il metodo è convergente e fornisce in aritmetica esatta la soluzione del sistema $Ax = b$ in al massimo n iterazioni. Questo teorema tradisce un po' le attese, sia perchè i calcoli non sono compiuti in aritmetica esatta, sia perchè in molti casi della modellistica matematica n risulta essere molto alto. Comunque si può dimostrare [?, p. 279] in queste ipotesi che se

$$\|x\|_A = \sqrt{x^T A x}$$

e

$$e_k = x^* - x^{(k)}$$

allora

$$\|e_k\|_A \leq \left(\frac{\sqrt{K_2(A)} - 1}{\sqrt{K_2(A)} + 1} \right)^{2k} \|e_0\|_A.$$

Questo risultato stabilisce che la convergenza del gradiente coniugato è lenta qualora si abbiano alti numeri di condizionamento

$$K_2(A) := \|A\|_2 \|A^{-1}\|_2 = \frac{\max_i |\lambda_i|}{\min_j |\lambda_j|}$$

(ove al solito $\{\lambda_i\}$ sono gli autovalori di A). Esistono varie versioni di questa disuguaglianza. Ad esempio in [?, p. 151]:

$$\|e_k\|_A \leq \left(\frac{2c^k}{1 + 2c^k} \right) \|e_0\|_A$$

dove

$$c := \frac{\sqrt{K_2(A)} - 1}{\sqrt{K_2(A)} + 1}.$$

L'analisi del metodo è piuttosto complessa. Qualora interessati si confronti con [?, p. 562-569], [?, p. 272-283], [?, p. 340-356], [?, p. 145-153].

Per quanto riguarda il codice del Gradiente Coniugato, un esempio è il file `cg.m` tratto da Netlib :

```
function [x, error, iter, flag] = cg(A, x, b, M, max_it, tol)

% -- Iterative template routine --
%   Univ. of Tennessee and Oak Ridge National Laboratory
%   October 1, 1993
%   Details of this algorithm are described in "Templates for the
%   Solution of Linear Systems: Building Blocks for Iterative
%   Methods", Barrett, Berry, Chan, Demmel, Donato, Dongarra,
%   Eijkhout, Pozo, Romine, and van der Vorst, SIAM Publications,
%   1993. (ftp netlib2.cs.utk.edu; cd linalg; get templates.ps).
%
% [x, error, iter, flag] = cg(A, x, b, M, max_it, tol)
%
% cg.m solves the symmetric positive definite linear system Ax=b
% using the Conjugate Gradient method with preconditioning.
%
% input   A          REAL symmetric positive definite matrix
%         x          REAL initial guess vector
%         b          REAL right hand side vector
%         M          REAL preconditioner matrix
%         max_it     INTEGER maximum number of iterations
%         tol        REAL error tolerance
%
% output  x          REAL solution vector
%         error      REAL error norm
%         iter       INTEGER number of iterations performed
%         flag       INTEGER: 0 = solution found to tolerance
%                        1 = no convergence given max_it

flag = 0;                                % initialization
iter = 0;

bnrm2 = norm( b );
if ( bnrm2 == 0.0 ), bnrm2 = 1.0; end

r = b - A*x;
error = norm( r ) / bnrm2;
if ( error < tol ) return, end

for iter = 1:max_it                        % begin iteration

    z = M \ r;
    rho = (r'*z);

    if ( iter > 1 ),                        % direction vector
        beta = rho / rho_1;
        p = z + beta*p;
```



```

else
    p = z;
end

q = A*p;
alpha = rho / (p'*q);
x = x + alpha * p;           % update approximation vector

r = r - alpha*q;             % compute residual
error = norm( r ) / bnorm2;  % check convergence
if ( error <= tol ), break, end

rho_1 = rho;

end

if ( error > tol ) flag = 1; end % no convergence

% END cg.m

```

Osserviamo che il procedimento itera finchè un numero massimo di iterazioni è raggiunto oppure la norma 2 del residuo (relativo)

$$\frac{\|b - Ax^{(k)}\|_2}{\|b\|_2}$$

immagazzinata nella variabile `error` risulta inferiore ad una tolleranza prefissata `tol`. In questo caso il criterio d'arresto del metodo del gradiente coniugato è diverso da quello dello step relativo utilizzato nelle precedenti versioni di Jacobi ed SOR.

2 Un esperimento numerico

Consideriamo il sistema lineare $Ax = b$ dove A è la matrice tridiagonale a blocchi (di Poisson)

$$A = \begin{pmatrix} B & -I & 0 & \dots & 0 \\ -I & B & -I & \dots & 0 \\ 0 & -I & B & \dots & \dots \\ 0 & \dots & \dots & \dots & -I \\ 0 & 0 & \dots & -I & B \end{pmatrix}$$

con

$$B = \begin{pmatrix} 4 & -1 & 0 & \dots & 0 \\ -1 & 4 & -1 & \dots & 0 \\ 0 & -1 & 4 & \dots & \dots \\ 0 & \dots & \dots & \dots & -1 \\ 0 & 0 & \dots & -1 & 4 \end{pmatrix}$$

La matrice A è facilmente esprimibile utilizzando la funzione `makefish` scaricabile in [?]

```

function mat = makefish(siz);
% make a Poisson matrix

leng = siz*siz;
dia = zeros(siz,siz);
off = -eye(siz,siz);
for i=1:siz, dia(i,i)=4; end;
for i=1:siz-1, dia(i,i+1)=-1; dia(i+1,i)=-1; end;
mat = zeros(leng,leng);
for ib=1:siz,
    mat(1+(ib-1)*siz:ib*siz,1+(ib-1)*siz:ib*siz) = dia; end;
for ib=1:siz-1,
    mat(1+(ib-1)*siz:ib*siz,1+ib*siz:(ib+1)*siz) = off;
    mat(1+ib*siz:(ib+1)*siz,1+(ib-1)*siz:ib*siz) = off; end;
return;

```

Vediamo un esempio:

```

>> makefish(3)

ans =

     4     -1      0     -1      0      0      0      0      0
    -1      4     -1      0     -1      0      0      0      0
     0     -1      4      0      0     -1      0      0      0
    -1      0      0      4     -1      0     -1      0      0
     0     -1      0     -1      4     -1      0     -1      0
     0      0     -1      0     -1      4      0      0     -1
     0      0      0     -1      0      0      4     -1      0
     0      0      0      0     -1      0     -1      4     -1
     0      0      0      0      0     -1      0     -1      4

>>

```

che evidentemente è una matrice di Poisson con B matrice quadrata di ordine 3

```

B =      4      -1      0
      -1       4      -1
           0      -1      4

```

Per ulteriori dettagli sulle origini della matrice di Poisson, si considerino ad esempio [?, p. 557], [?, p. 283], [?, p. 334]. Le matrici di Poisson sono evidentemente simmetriche, tridiagonali a blocchi, diagonalmente dominanti e dal primo e dal secondo teorema di Gerschgorin [?, p. 76-80], [?, p. 955] si può provare che sono non singolari. In particolare si può mostrare che A è definita positiva. Per accertarsene, calcoliamo il minimo autovalore della matrice di Poisson con $B \in \mathcal{M}_5$, semplicemente digitando sulla shell di Matlab-Octave

```

>> A=makefish(5);
>> m=min(eig(A))

```

```
m =
    0.5359
>>
```

Tale matrice di Poisson non è malcondizionata essendo

```
>> A=makefish(5);
>> cond(A)
ans =
    13.9282
>>
```

Poniamo ora

```
b=ones(size(A,1),1);
```

e risolviamo il sistema $Ax = b$ digitando

```
x_sol=A\b;
```

Nota la soluzione esatta confrontiamo i vari metodi risolvendo il sistema lineare con un numero massimo di iterazioni `maxit` e una tolleranza `tol` come segue

```
maxit=200; tol=10^(-8);
```

A tal proposito consideriamo l'm-file

```
demo_algebra_lineare.m
```

contenente il codice

```
maxit=200; tol=10^(-8);

siz=5;
A = makefish(siz);      % MATRICE DI POISSON.
b=ones(size(A,1),1);    % TERMINE NOTO.

x_sol=A\b;              % SOLUZIONE ESATTA. METODO LU.

norm_x_sol=norm(x_sol);
if norm(x_sol) == 0
    norm_x_sol=1;
end

x=zeros(size(b));       % VALORE INIZIALE.

% JACOBI.
[x_j, error_j, iter_j, flag_j] = jacobi(A, x, b, maxit, tol);

fprintf('\t \n [JACOBI ] [STEP REL., NORMA 2]: %2.2e [REL.ERR.]:\n',\n',error_j,norm(x_j-x_sol)/norm_x_sol);
fprintf('\t \n [ITER.]: %3.0f [FLAG]: %1.0f \n',iter_j,flag_j);
```

```
% GAUSS-SEIDEL.
w=1;
[x_gs, error_gs, iter_gs, flag_gs] = sor(A, x, b, w, maxit, tol);

fprintf('\t \n [GAU.SEI.] [STEP REL., NORMA 2]: %2.2e [REL.ERR.]: %2.2e', error_gs, norm(x_gs-x_sol)/norm_x_sol);
fprintf('\t \n [ITER.]: %3.0f [FLAG]: %1.0f \n', iter_gs, flag_gs);

% SOR.
w_vett=0.8:0.025:2;

for index=1:length(w_vett)
    w=w_vett(index);
    [x_sor, error_sor(index), iter_sor(index), flag_sor(index)] = sor(A, x, b, w, maxit, tol);
    relerr(index)=norm(x_sor-x_sol)/norm_x_sol;
end

[min_iter_sor, min_index]=min(iter_sor);

fprintf('\t \n [SOR OTT.] [STEP REL., NORMA 2]: %2.2e [REL.ERR.]: %2.2e', error_sor(min_index), relerr(min_index));
fprintf('\t \n [ITER.]: %3.0f [FLAG]: %1.0f [w]: %2.3f \n', min_iter_sor, flag_sor(min_index), w_vett(min_index));

plot(w_vett, iter_sor, 'r-');

% GRADIENTE CONIUGATO.
M=eye(size(A));
[x_gc, error_gc, iter_gc, flag_gc] = cg(A, x, b, M, maxit, tol);

fprintf('\t \n [GRA.CON.] [STEP REL., NORMA 2]: %2.2e [REL.ERR.]: %2.2e', error_gc, norm(x_gc-x_sol)/norm_x_sol);
fprintf('\t \n [ITER.]: %3.0f [FLAG]: %1.0f \n', iter_gc, flag_gc);
```

Lanciamo la demo nella shell di Matlab-Octave e otteniamo

```
>> demo_algebra_lineare

[JACOBI ] [STEP REL., NORMA 2]: 8.73e-009 [REL.ERR.]: 5.65e-008
[ITER.]: 116 [FLAG]: 0

[GAU.SEI.] [STEP REL., NORMA 2]: 9.22e-009 [REL.ERR.]: 2.76e-008
[ITER.]: 61 [FLAG]: 0
```

```
[SOR OTT.] [STEP REL., NORMA 2]: 2.31e-009 [REL.ERR.]: 1.10e-009
[ITER.]: 21 [FLAG]: 0 [w]: 1.350

[GRA.CON.] [STEP REL., NORMA 2]: 4.41e-017 [REL.ERR.]: 2.21e-016
[ITER.]: 5 [FLAG]: 0
>>
```

Una breve analisi ci dice che

1. Come previsto dalla teoria, il metodo di Gauss-Seidel converge in metà iterazioni di Jacobi;
2. Il metodo SOR ha una buona costante $w = 1.350$;
3. Il metodo del gradiente coniugato converge in meno iterazioni rispetto agli altri metodi. Essendo la matrice di Poisson di ordine 25, in effetti ciò accade in meno di 25 iterazioni come previsto. Vediamo cosa succede dopo 25 iterazioni:

```
>> maxit=25; tol=0;
>> siz=5; A = makefish(siz); b=ones(size(A,1),1);
>> [x_gc, error_gc, iter_gc, flag_gc] = cg(A, x, b, M, maxit, tol);
>> error_gc
error_gc =
3.6287e-039
>>
```

Il residuo relativo, seppur non nullo è molto piccolo.

Un punto delicato riguarda il parametro ω ottimale (cioè minimizzante il raggio spettrale di SOR). Nel nostro codice è stato calcolato per forza bruta. E' possibile calcolarlo matematicamente? Nel caso della matrice di Poisson la risposta è affermativa. Da [?, Teor.5.10, p.333]

$$\omega^* = \frac{2}{1 + \sqrt{1 - \rho^2(B_J)}}$$

e il raggio spettrale della matrice di iterazione vale $\omega^* - 1$. dove $\rho(S)$ è il massimo degli autovalori in modulo della matrice S (il cosiddetto raggio spettrale) e B_J la matrice di iterazione di Jacobi. Vediamo di calcolare questo valore nel caso della sopracitata matrice di Poisson. Dalla teoria, con ovvie notazioni,

$$B_J = I - D^{-1}A$$

e quindi

```
>> format long;
>> BJ=eye(size(A))-inv(D)*A;
>> s=eig(BJ);
>> s_abs=abs(s);
```

```

>> rho=max(s_abs);
>> w=2/(1+sqrt(1-rho^2))
w =
    1.333333333333333
>> maxit=50; tol=10^(-8);
>> b=ones(size(A,1),1);
>> [x_sor, error_sor(index), iter_sor(index), flag_sor(index)] = sor(A,
x, b, w, maxit, tol);
>> [x_sor, error_sor, iter_sor, flag_sor] = sor(A, x, b, w, maxit, tol);
>> iter_sor
iter_sor =
    22
>>

```

Si rimane un po' sorpresi dal fatto che per $w = 1.350$ il numero di iterazioni fosse inferiore, ma l'ottimalità è legata alla minimizzazione del raggio spettrale di SOR e quindi questo fenomeno non è del tutto inaspettato.

Abbiamo detto che un punto chiave è la grandezza del raggio spettrale delle matrici di iterazione e che è desiderabile che questo numero oltre ad essere strettamente minore di uno sia il più piccolo possibile. Vediamo i raggi spettrali dei metodi esposti.

Salviamo in `raggispettrali.m` il seguente programma principale

```

maxit=50; tol=0;

siz=5;
A = makefish(siz);    % MATRICE DI POISSON.
b=ones(size(A,1),1); % TERMINE NOTO.

[ M, N ] = split( A , b, 1.0, 1 ); % JACOBI.
P=inv(M)*N;
rho_J=max(abs(eig(P)));
fprintf('\n \t [RAGGIO SPETTRALE] [JACOBI]: %2.15f',rho_J);

[ M, N, b ] = split( A, b, 1, 2 ); % GS.
P=inv(M)*N;
rho_gs=max(abs(eig(P)));
fprintf('\n \t [RAGGIO SPETTRALE] [GAUSS-SEIDEL]: %2.15f',rho_gs);

D=diag(diag(A));
E=-(tril(A)-D);
F=-(triu(A)-D);
w=1.350;
M=D/w-E; N=(1/w-1)*D+F;
P=inv(M)*N;
rho_sor=max(abs(eig(P)));
fprintf('\n \t [RAGGIO SPETTRALE] [SOR BEST]: %2.15f',rho_sor);

w=1.333333333333333;

```

```
[ M, N, b ] = split( A, b, w, 2 ); % SOR OPT.
M=D/w-E; N=(1/w-1)*D+F;
P=inv(M)*N;
rho_sor_opt=max(abs(eig(P)));
fprintf('\n \t [RAGGIO SPETTRALE] [SOR OPT]: %.15f',rho_sor_opt);
```

Di seguito:

```
>> raggispettrali
      [RAGGIO SPETTRALE] [JACOBI]: 0.866025403784438
      [RAGGIO SPETTRALE] [GAUSS-SEIDEL]: 0.750000000000000
      [RAGGIO SPETTRALE] [SOR BEST]: 0.350000000000001
      [RAGGIO SPETTRALE] [SOR OPT]: 0.333333380707781
>>
```

Il valore del raggio spettrale della matrice di iterazione del metodo SOR per parametro ottimale, per quanto visto anticipatamente vale $\omega^* - 1$ e il raggio spettrale della matrice di iterazione di Gauss-Seidel coincide col quadrato di quella di Jacobi essendo come è facile verificare

```
>> 0.866025403784438^2
ans =
      0.750000000000000
>>
```

Al momento non consideriamo il metodo del gradiente coniugato poichè non è di tipo stazionario.

3 Facoltativo: Il metodo di Richardson

Come visto nella precedente lezione i metodi di Jacobi e di Gauss-Seidel e le loro versioni *rilassate* sono metodi iterativi del tipo

$$Px^{(k+1)} = Nx^{(k)} + b, \quad (10)$$

per opportune scelte della matrici P, N tali che

$$A = P - N. \quad (11)$$

Se

$$r^{(k)} = b - Ax^{(k)} \quad (12)$$

è il *residuo* alla k -sima iterazione allora da (??) e (??)

$$P(x^{(k+1)} - x^{(k)}) = Nx^{(k)} + b - Px^{(k)} = b - Ax^{(k)} = r^{(k)} \quad (13)$$

Per un opportuno parametro di accelerazione $\alpha > 0$ (da non confondersi con quello di SOR), si può fornire un'ovvia generalizzazione del metodo (??)

$$P(x^{(k+1)} - x^{(k)}) = \alpha r^{(k)}, \quad k \geq 0. \quad (14)$$

Evidentemente (??) corrisponde alla scelta $\alpha = 1$.

Il parametro $\alpha > 0$ viene scelto così da minimizzare il raggio spettrale della matrice di iterazione. In questo caso si vede che da

$$P(x^{(k+1)} - x^{(k)}) = \alpha (b - Ax^{(k)}) \quad (15)$$

necessariamente

$$Px^{(k+1)} = Px^{(k)} + \alpha (b - Ax^{(k)}) = (P - \alpha A)x^{(k)} + \alpha b, \quad (16)$$

e quindi la matrice di iterazione diventa

$$R_\alpha = P^{-1}(P - \alpha A) = I - \alpha P^{-1}A. \quad (17)$$

Se $P^{-1}A$ è definita positiva e λ_{\min} e λ_{\max} sono rispettivamente il minimo e massimo autovalore di $P^{-1}A$, allora il valore ottimale del parametro α è

$$\alpha_{\text{ott}} = \frac{2}{\lambda_{\min} + \lambda_{\max}} \quad (18)$$

ed in corrispondenza si ha che la matrice di iterazione $R_{\alpha_{\text{ott}}}$ ha raggio spettrale

$$\alpha_{\text{ott}} = \frac{\lambda_{\max} - \lambda_{\min}}{\lambda_{\min} + \lambda_{\max}} \quad (19)$$

Si osservi che la scelta di α non dipende dall'iterazione; di conseguenza (??) definisce il cosiddetto *metodo di Richardson stazionario*, per distinguerlo dal *metodo di Richardson non stazionario*

$$P(x^{(k+1)} - x^{(k)}) = \alpha_k (b - Ax^{(k)}). \quad (20)$$

con α_k che non è necessariamente costante.

Se $P^{-1}A$ è definita positiva, una classica scelta di α_k è

$$\alpha_k = \frac{r^{(k)T} z^{(k)}}{z^{(k)T} A z^{(k)}}. \quad (21)$$

4 Facoltativo: Esercizi sui metodi di Richardson

Il metodo di Richardson si può implementare come segue:

1. assegnato $x^{(0)}$, si ponga $r^{(0)} = b - Ax^{(0)}$.
2. si considera per $k \geq 0$ lo schema:

$$\begin{cases} Pz^{(k)} = r^{(k)}; \\ x^{(k+1)} = x^{(k)} + \alpha z^{(k)}; \\ r^{(k+1)} = r^{(k)} - \alpha A z^{(k)}; \end{cases} \quad (22)$$

Il metodo di Richardson con parametro α_k definito da (??) è una semplice variante di (??) in cui α_k viene assegnato subito dopo aver calcolato $z^{(k)}$.

1. Implementare in Matlab le due routines

richardson

e

richardsonmodificato

definito da (??).

2. Dato il problema $Ax = b$ definito dallo schema alle differenze utilizzato nella lezione precedente per risolvere un problema di Poisson, definire i metodi di Richardson associati ai metodi di Jacobi e Gauss-Seidel. Applicare i rispettivi metodi di Richardson ottimali e osservare sia i (possibili) miglioramenti in termini di errore dopo un numero prefissato di iterazioni sia il miglior raggio spettrale della matrice di iterazione. Utilizzare il residuo assoluto in norma 2

$$r^{(k)} := \|b - Ax^{(k)}\|_2 < \text{toll} \quad (23)$$

quale test di arresto. Implementare in alternativa una versione basata sul residuo relativo in norma 2

$$r_{\text{rel}}^{(k)} := \|b - Ax^{(k)}\|_2 / \|b\|_2 < \text{toll}, \quad (24)$$

o lo step relativo in norma 2

$$\Delta_{\text{rel}}^{(k)} := \|x^{(k+1)} - x^{(k)}\|_2 / \|b\|_2 < \text{toll}. \quad (25)$$

3. Data la matrice di Hilbert di ordine 12 (che denotiamo con H_{12}), calcolarne gli autovettori. E' questa matrice definita positiva? Ricordiamo che H_{12} può essere generata dal comando Matlab `hilb(12)`. Usare la routine Matlab `cond` per calcolarne il numero di condizionamento $K_2(A)$ in norma 2, cioè la quantità

$$K_2(A) = \|A\|_2 \|A^{-1}\|_2. \quad (26)$$

E' una matrice definita positiva? Si può affermare che i metodi di Jacobi e Gauss-Seidel sono convergenti? Applicare i metodi Jacobi, Gauss-Seidel e le rispettive versioni ottimali per risolvere il sistema $H_{12}x = b$ con $b_i = \int_0^1 x^{i-1}$ per $i = 1, \dots, 12$. Si osservi l'errore compiuto sapendo che la soluzione del problema e' il primo vettore della base canonica di R^n (per convincersene scrivere la riga di comando Matlab $x = A \backslash b$ ove $A = H_{12}$). Eseguire lo stesso esercizio per H_{20} e $b \in R^{20}$ definita come sopra.

4. Si consideri la matrice a blocchi

$$A = \begin{pmatrix} B & -I & 0 \\ -I & B & -I \\ 0 & -I & B \end{pmatrix} \quad (27)$$

dove I é la matrice identica e

$$B = \begin{pmatrix} 4 & -1 & 0 \\ -1 & 4 & 0 \\ 0 & -1 & 4 \end{pmatrix} \quad (28)$$

Applicare i metodi di Jacobi, Gauss-Seidel e i rispettivi metodi di Richardson (nella versione stazionaria a parametro ottimale, e non stazionaria con parametro α_k definito in (??)) per calcolare la soluzione del problema $Ax = b$, dove $b = (1, 0, \dots, 0) \in R^9$. E' possibile stabilire a priori che i metodi di Jacobi e Gauss-Seidel sono convergenti? Calcolare il raggio spettrale delle matrici di iterazione di tali metodi utilizzando il comando `eig` di Matlab . Fissata una tolleranza di $\text{tol} = 10^{-8}$, arrestare le iterazioni quando il residuo relativo in norma 2 é inferiore di tol . Quale di questi metodi converge in meno iterazioni? Questo risultato è coerente con il valore del raggio spettrale delle matrici di iterazione?

5 Facoltativo: Altre matrici interessanti. La matrice di Hilbert.

Per vedere alcuni comandi di base aiutiamoci con delle matrici predefinite in Matlab/Octave. Digitiamo nella shell di Matlab/Octave `>> help elmat`. In Matlab 6.5 abbiamo

```
>> help elmat
```

```
Elementary matrices and matrix manipulation.
```

```
Elementary matrices.
```

```
zeros      - Zeros array.
ones       - Ones array.
eye        - Identity matrix.
repmat     - Replicate and tile array.
rand       - Uniformly distributed random numbers.
randn      - Normally distributed random numbers.
linspace   - Linearly spaced vector.
logspace   - Logarithmically spaced vector.
freqspace  - Frequency spacing for frequency response.
meshgrid   - X and Y arrays for 3-D plots.
:          - Regularly spaced vector and index into matrix.
```

```
...
```

```
Specialized matrices.
```

```
compan     - Companion matrix.
gallery    - Higham test matrices.
hadamard   - Hadamard matrix.
hankel     - Hankel matrix.
```

```

hilb      - Hilbert matrix.
invhilb   - Inverse Hilbert matrix.
magic     - Magic square.
pascal    - Pascal matrix.
rosser    - Classic symmetric eigenvalue test problem.
toeplitz  - Toeplitz matrix.
vander    - Vandermonde matrix.
wilkinson - Wilkinson's eigenvalue test matrix.

```

Questo ci dice che Matlab ha predefinito un set di matrici di particolare interesse. Se possibile si suggerisce di provare i metodi che andremo ad introdurre con una matrice facente parte della gallery di Matlab. Ciò non appare possibile nelle recenti releases di Octave, come GNU Octave 2.1.73. Da Matlab 6.5

```
>> help gallery
```

```

GALLERY Higham test matrices.
[out1,out2,...] = GALLERY(matname, param1, param2, ...)
takes matname, a string that is the name of a matrix family, and
the family's input parameters. See the listing below for available
matrix families. Most of the functions take an input argument
that specifies the order of the matrix, and unless otherwise
stated, return a single output.
For additional information, type "help private/matname", where matname
is the name of the matrix family.

cauchy    Cauchy matrix.
chebspec  Chebyshev spectral differentiation matrix.
chebvand  Vandermonde-like matrix for the Chebyshev polynomials.
chow      Chow matrix -- a singular Toeplitz lower Hessenberg matrix.
circul    Circulant matrix.

...

poisson   Block tridiagonal matrix from Poisson's equation (sparse).
prolate   Prolate matrix -- symmetric, ill-conditioned Toeplitz matrix.
randcolu  Random matrix with normalized cols and specified singular
values.
randcorr  Random correlation matrix with specified eigenvalues.
randhess  Random, orthogonal upper Hessenberg matrix.
rando     Random matrix with elements -1, 0 or 1.
randsvd   Random matrix with pre-assigned singular values and specified
bandwidth.
redheff   Matrix of 0s and 1s of Redheffer.
riemann   Matrix associated with the Riemann hypothesis.
ris       Ris matrix -- a symmetric Hankel matrix.
smoke     Smoke matrix -- complex, with a "smoke ring" pseudospectrum.
toeppd    Symmetric positive definite Toeplitz matrix.
toeppen   Pentadiagonal Toeplitz matrix (sparse).

```

```
tridiag  Tridiagonal matrix (sparse).
triw     Upper triangular matrix discussed by Wilkinson and others.
wathen   Wathen matrix -- a finite element matrix (sparse, random
entries).
wilk     Various specific matrices devised/discussed by Wilkinson.
         (Two output arguments)
```

```
GALLERY(3) is a badly conditioned 3-by-3 matrix.
GALLERY(5) is an interesting eigenvalue problem. Try to find
its EXACT eigenvalues and eigenvectors.
```

```
See also MAGIC, HILB, INVHILB, HADAMARD, WILKINSON, ROSSER, VANDER.
```

References

- [1] K. Atkinson, *Introduction to Numerical Analysis*, Wiley, 1989.
- [2] D. Bini, M. Capovani e O. Menchi, *Metodi numerici per l'algebra lineare*, Zanichelli, 1988.
- [3] V. Comincioli, *Analisi Numerica, metodi modelli applicazioni*, Mc Graw-Hill, 1990.
- [4] S.D. Conte e C. de Boor, *Elementary Numerical Analysis, 3rd Edition*, Mc Graw-Hill, 1980.
- [5] The MathWorks Inc., *Numerical Computing with Matlab*, <http://www.mathworks.com/moler>.
- [6] Netlib, <http://www.netlib.org/templates/matlab/>.
- [7] A. Quarteroni e F. Saleri, *Introduzione al calcolo scientifico*, Springer Verlag, 2006.
- [8] A. Suli e D. Mayers, *An Introduction to Numerical Analysis*, Cambridge University Press, 2003.